



USP ESALQ – ASSESSORIA DE COMUNICAÇÃO

Veículo: Grupo Cultivar

Data: 01/07/2013

Link: <http://www.grupocultivar.com.br/site/content/noticias/?q=36810>

Assunto: Seminário debate genoma do milho

Seminário debaterá genoma do milho

Na próxima quarta-feira (03), às 14h, acontecerá na Escola Superior de Agricultura “Luiz de Queiroz” (USP/ESALQ) o seminário “Conectando genótipos e fenótipos em um genoma complexo, utilizando milho como exemplo”, a ser proferido pela pesquisadora Natalia de Leon, da Universidade de Wisconsin, Madison, EUA. A atividade acontece por conta de uma visita da cientista ao Laboratório de Genética Estatística, coordenado pelo professor Antonio Augusto Franco Garcia, do Departamento de Genética (LGN).

Segundo o professor, o milho é uma espécie vegetal que apresenta uma ampla variabilidade fenotípica, provavelmente devido à grande variabilidade comumente encontrada ao nível genotípico e de transcrição.

Nos estudos realizados em seu laboratório, o docente utiliza tecnologias de sequenciamento do RNA para tentar expandir a compreensão do pan-genoma desta espécie e também para identificar associações entre variantes genotípicas e de transcrição com características fenotípicas de interesse. “A partir da utilização de metodologias de análises de associação genômica ampla, com polimorfismos de SNPs e variantes transcricionais, identificamos genes conhecidos, bem como novas variantes associadas com o tempo de transição entre o estágio de desenvolvimento juvenil”.

A atividade é voltada para alunos de pós-graduação e acontecerá no Anfiteatro “Prof. Ernesto Paterniani”, no LGN. Não é necessário realizar inscrição prévia.